

L'OFFICIEL

Actes officiels et recommandations



ACTES OFFICIELS

RAPPORTS D'EXPERTS

SANTÉ ANIMALE

Conclusions et recommandations

Activité de la grippe équine en 2019/20

Depuis [la précédente réunion du Groupe, tenue en avril 2019](#), des foyers de grippe équine ont été signalés en Afrique, en Amérique du Nord, en Asie et en Europe.

Origine des virus de grippe équine caractérisés

Les virus isolés et/ou caractérisés à partir des foyers survenus en République Populaire de Chine, aux États-Unis, en France, en Irlande, au Niger, au Nigeria, au Royaume-Uni et en Suède ont été identifiés comme virus influenza A (H3N8).

Informations recueillies sur le terrain

Afrique

En Afrique, des foyers ont été détectés en 2018 et étaient encore actifs en 2019. Ils ont été signalés au Cameroun, au Mali, au Niger, au Nigeria, au Sénégal et au Soudan. Au Ghana il y a eu une suspicion de virus de la grippe équine, sans confirmation. Plusieurs pays ont observé une importante mortalité chez les ânes.

Amérique du Nord

Aux États-Unis, la prévalence de la grippe équine a été exceptionnellement élevée à la fin de l'année 2018 et pendant le premier tiers de 2019, puis elle a retrouvé des niveaux plus habituels. Chaque mois des foyers ont été détectés ; 33 États ont été atteints.

Asie

En Chine un foyer a été confirmé en Mongolie-Intérieure.

Europe

La flambée apparue en Europe à la fin 2018 s'est maintenue en 2019 : 228 établissements ont été déclarés atteints au Royaume-Uni, environ 80 en Irlande et plus de 60 en France. Tous les secteurs de la filière équine ont été touchés. Les animaux atteints étaient des chevaux, vaccinés ou non, mais la protection était bien meilleure chez les chevaux vaccinés que chez les chevaux non vaccinés. Les animaux qui avaient été correctement vaccinés pendant plusieurs années consécutives n'ont souvent présenté aucune manifestation clinique ou n'ont été que peu malades. À la fin de l'été et à l'automne cet épisode semblait se tarir, mais au début de 2020 des foyers sporadiques ont été de nouveau confirmés en France, en Irlande, au Royaume-Uni et en Suède.

Étude des virus isolés en 2019/20

Caractéristiques génétiques

Au plan génétique, les virus isolés ou identifiés à partir des foyers survenus en Chine, aux États-Unis, en France, en Irlande, au Niger, au Nigeria, au Royaume-Uni, au Sénégal et en Suède en 2019, et en Irlande et en Suède en 2020, ont été caractérisés en déterminant la séquence du gène codant l'hémagglutinine (HA).

Les gènes codant la neuraminidase (NA) ont été séquencés pour les virus isolés ou identifiés à partir des foyers survenus en 2019 en Chine, aux États-Unis, en France, en Irlande et au Royaume-Uni et de ceux survenus en 2020 aux États-Unis et en Irlande.

Les séquences HA et NA sont en adéquation avec celles des virus vaccinaux recommandés – A/equine/South Africa/2003 pour les virus du clade 1 et A/eq/Richmond/1/2007 pour les virus du clade 2.

Le virus détecté en Chine appartient au clade 2 de la sous-lignée Florida de la lignée américaine ; il est similaire aux virus identifiés en Chine en 2017 et 2015.

Tous les autres virus appartiennent au clade 1 de la sous-lignée Florida de la lignée américaine et sont très similaires aux virus de clade 1 identifiés aux États-Unis et en Amérique du Sud en 2018.

Caractéristiques antigéniques

Les virus isolés en Irlande en 2019 et les virus générés par génétique inverse à partir de l'hémagglutinine des virus de 2019 de l'Irlande et du Royaume-Uni, ont été caractérisés au plan antigénique en utilisant des sérums équins post-infection. Une comparaison a été effectuée entre les titres d'anticorps neutralisants des sérums équins post-vaccination générés à partir des virus isolés aux États-Unis en 2019 et de ceux générés à partir du virus vaccinal recommandé A/equine/Ohio/2003. En outre, des antisérums de furet post-infection ont été préparés pour être confrontés aux virus isolés en 2019 mais le programme de tests a dû être interrompu à cause de l'épidémie de COVID-19.

Les données de la neutralisation obtenues avec les virus isolés en 2019 indiquent que ceux-ci conservent toujours une étroite parenté antigénique avec les virus de clade 1 recommandés pour les vaccins.

Conclusions

À l'exception d'un virus de clade 2 identifié en Chine, tous les virus qui ont pu être isolés et caractérisés à partir des foyers survenus en 2019 et au début de 2020 appartiennent au clade 1 de la sous-lignée Florida et sont similaires à ceux identifiés aux États-Unis et en Amérique du Sud en 2018. Les virus de clade 1 sont endémiques aux États-Unis, mais pour ce qui concerne l'Afrique il s'agit là du premier épisode majeur dû à un virus de clade 1 depuis 2003, et pour ce qui concerne l'Europe depuis 2009/10. Même si les virus de clade 1 ont graduellement divergé au plan génétique par rapport aux souches vaccinales recommandées par l'OIE, les données de la neutralisation obtenues avec des sérums équins monospécifiques indiquent que ces virus continuent d'être similaires au plan antigénique aux virus recommandés dans la composition des vaccins. L'étude de ces virus se poursuit mais le Groupe s'accorde à dire que les éléments scientifiques actuellement disponibles ne justifient pas de réviser les recommandations relatives à la composition des vaccins.

Niveau de surveillance et mise à jour des vaccins

Le Groupe continue d'insister sur l'importance de renforcer la surveillance et d'élucider les raisons de l'échec de la vaccination dans différents pays.

L'expédition rapide des virus aux Laboratoires de référence est une condition primordiale pour assurer un suivi efficace des dérives antigéniques et génétiques à l'échelle mondiale.

Recommandations (avril 2020)

Les recommandations demeurent pour l'instant identiques à celles énoncées tous les ans depuis 2010.

Il n'est pas nécessaire d'inclure de virus H7N7 ni de virus H3N8 de la lignée eurasienne dans la composition des vaccins puisque ces virus n'ont pas été détectés après de nombreuses années de surveillance et sont donc supposés ne pas être en circulation.

La composition des vaccins doit intégrer des virus représentant chacun des clades 1 et 2 de la sous-lignée Florida.

Les recommandations pour cette année sont les suivantes :

- Le clade 1 continue d'être représenté par les virus analogues à A/eq/South Africa/4/2003 ou à A/eq/Ohio/2003, mais des virus plus récents appartenant au clade 1 peuvent être obtenus auprès des Laboratoires de référence de l'OIE (voir liste ci-après).
- Le clade 2 continue d'être par les virus analogues à A/eq/Richmond/1/2007, mais des virus plus récents appartenant au clade 2 peuvent être obtenus auprès des Laboratoires de référence de l'OIE (voir liste ci-après).

Il est recommandé aux fabricants qui produisent des vaccins destinés à un marché strictement national de prendre contact avec les Laboratoires de référence. Les virus sélectionnés doivent induire des réponses appropriées au plan immunogénique par rapport aux virus de la grippe équine qui circulent sur le territoire national. Le séquençage des segments géniques HA et NA doit avoir été réalisé avant toute utilisation.

Réactifs de référence

Des antisérums post-infection équins lyophilisés dirigés contre les souches A/eq/South Africa/4/2003 (Florida, clade 1) et A/eq/Richmond/1/2007 (Florida, clade 2) sont disponibles auprès de la [Direction européenne de la qualité du médicament & soins de santé \(EDQM\)](#). Des valeurs en hémolyse radiale ont été attribuées à ces sérums lors d'études collaboratives internationales, de sorte qu'ils peuvent être utilisés comme sérums de référence en première instance pour cette épreuve.

Des souches virales récentes, comprenant des souches vaccinales candidates adéquates pour les clades 1 et 2, sont disponibles auprès des Laboratoires de référence de l'OIE. Si toutefois l'un de ceux-ci n'était pas en mesure de fournir les vaccins candidats appropriés pour les deux clades, il aiderait le fabricant de vaccin à se procurer les virus auprès d'un autre Laboratoire de référence de l'OIE.

De petites quantités d'antisérum de furet aux fins de caractérisation de l'antigène sont disponibles auprès des Laboratoires de référence de l'OIE d'Irlande et du Royaume-Uni.

<http://dx.doi.org/10.20506/bull.2020.1.3134>

Laboratoires de référence de l'OIE pour la grippe équine

Pre. Ann Cullinane
Head of the Virology Unit
Irish Equine Centre
Johnstown
Naas, Co. Kildare

Irlande

Tél. +353 45 86 62 66

Courriel : acullinane@irishequinecentre.ie

Dre Debra Elton

Animal Health Trust

Centre for Preventive Medicine

Lanwades Park, Kentford

Suffolk CB8 7UU

Royaume-Uni

Tél. +44 1638 75 10 00

Courriel : debra.elton@aht.org.uk

Dr Thomas M. Chambers

Maxwell H. Gluck Equine Research Center

Department of Veterinary Science

University of Kentucky

108 Gluck Equine Research Center

Lexington, Kentucky 40546-0099

États-Unis d'Amérique

Tél. +1 859 257 47 57

Courriel : tmcham1@uky.edu

ACTIVITÉS ET PROGRAMMES

► CENTRES DE RÉFÉRENCE

Groupe d'experts de l'OIE pour la surveillance et la composition des vaccins contre la grippe équine

Visioconférence, 16 avril 2020

MOTS-CLÉS

#grippe équine, #Groupe d'experts de l'OIE pour la surveillance et la composition des vaccins contre la grippe équine, #Laboratoire de référence de l'OIE, #recommandation, #vaccin.



Photo : Sebastian Abbruzzese (Unsplash)

L'OIE est une organisation internationale créée en 1924. Ses 182 Membres lui ont donné pour mandat d'améliorer la santé et le bien-être animal. Elle agit avec l'appui permanent de 325 centres d'expertise scientifique et de 12 implantations régionales présents sur tous les continents.



Suivez l'OIE sur www.oie.int



@OIEAnimalHealth



World Organisation for Animal Health - OIE



OIEVideo



World Organisation for Animal Health



World Organisation for Animal Health (OIE)



Version digitale : www.oiebulletin.com



ORGANISATION MONDIALE DE LA SANTÉ ANIMALE
Protéger les animaux, préserver notre avenir

12, rue de Prony - 75017 Paris, France
Tél. : +33 (0)1 44 15 18 88 - Fax : +33 (0)1 42 67 09 87 - oie@oie.int